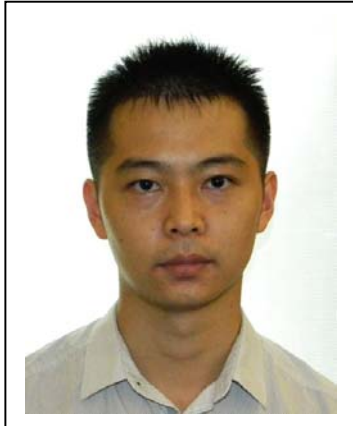


# 个人简历

## 基本信息



名字 王 谦

职称 教 授

专业 生物工程

E-mail wangq@zwu.edu.cn

Tel. +86-574-88222391

Fax. +86-574-88222957

## 工作经历及教育背景

- 12/2016-至今 教授，浙江万里学院
- 12/2015- 2016/11 讲师，浙江万里学院
- 01/2012-10/2015 博士后，功能基因组与代谢工程，淡马锡生命科学研究所，新加坡
- 07/2012- 12/2012 博士后，动物营养与消化道微生态，浙江大学，杭州
- 09/2007- 06/2012 博士，动物营养与饲料科学，浙江大学，杭州
- 09/2003- 06/2007 本科，动物科学，浙江大学，杭州

## 教学经历

### ◆ 浙江万里学院

- 1F15415 生物工程导论(2015 - 至今)
- 1F15345 生物技术导论(2015 - 至今)
- 1F10527 基因工程实验技术(2015 - 至今)
- 0F00300 生命的秘密(2016 - 至今)

## 科研方向

### ◆ 借助生物反应器开展生物质利用研究：

利用溶解性多糖单加氧酶和糖苷水解酶对木质纤维素进行降解和利用；采用蛋白质分子设计对功能性降解酶的催化活性、酶学特性进行分子改良；构建高效生物反应器，为开发生物质资源建立基础。

### ◆ 中华鳖（清溪乌鳖）黑色素沉积的调控机理研究：

针对中华鳖日本品系和清溪乌鳖皮肤乌质性状差异，通过分析中华鳖日本品系和清溪乌鳖的差异表达基因，探讨黑色素合成主效基因和相关转录因子在黑色素沉积过程中的调控作用。

## 论文及著作

**Wang, Q.**, Reddy, V.A., Paniker, D., Mao, H.Z., Kumar, N., Chakravarthy, R., Venkatesh, P.N., Chua, N.H., & Sarojam, R. (2016). Metabolic engineering of terpene biosynthesis in plants using a trichome-specific transcription factor MsYABBY5 from spearmint (*Mentha spicata*). *Plant Biotechnol J*, *14*. 1619-1632.

**Wang, Q.**, Du, W., Weng, X.Y., Liu, M.Q., Wang, J.K., & Liu, J.X. (2015). Recombination of thermo-alkalstable, high xylooligosaccharides producing endo-xylanase from *Thermobifida fusca* and expression in *Pichia pastoris*. *Appl Biochem Biotech*, *175*: 1318-1329.

**Wang, Q.**, Luo, Y., He, B., Jiang, L.S., Liu, J.X., & Wang, J.K. (2015). Characterization of a novel xylanase gene from rumen content of Hu sheep. *Appl Biochem Biotech*, *177*: 1424-1436.

**Wang, Q.**, Zhao, L.L., Sun, J.Y., Liu, J.X., & Weng, X.Y. (2012). Enhancing catalytic activity of a hybrid xylanase through single substitution of Leu to Pro near the active site. *World J Microb Biot*, *28*: 929-935.

**Wang, Q.**, Fu, S.J., Sun, J.Y., & Weng, X.Y. (2011). Characterization of a thermostable alkaline phytase from *Bacillus licheniformis* ZJ-6 in *Pichia pastoris*. *World J Microb Biot*, *27*: 1247-1253.

Jin, J.J., Panicker, D., **Wang, Q.**, Kim, M.J., Liu, J., Yin, J.L., Wong, L., Jang, I.C., Chua, N.H., & Sarojam, R. (2014). Next generation sequencing unravels the biosynthetic ability of spearmint (*Mentha spicata*) peltate glandular trichomes through comparative transcriptomics. *BMC Plant Biol*, 14(1), 292.

Wang, J.K., Sun, Z.Y., Zhou, Y., **Wang, Q.**, Ye, J.A., Chen, Z.M., & Liu, J.X. (2012). Screening of a xylanase clone from a fosmid library of rumen microbiota in Hu sheep. *Anim Biotechnol*, 23(3), 156-173.

## 社会活动及学术兼职

动物营养学会会员